

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی زالزالک های ایران (Crataegus spp.) بر اساس توالی های ITS هسته ای

محل انتشار:

دوفصلنامه پژوهش های میوه کاری، دوره 3، شماره 1 (سال: 1397)

تعداد صفحات اصل مقاله: 9

نویسندگان:

ابوالفضل علیرضالو - دانش آموزخته دکتری فیزیولوژی و اصلاح گیاهان دارویی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تربیت مدرس

نیما احمدی - استادیار گروه علوم باغبانی، دانشکده کشاورزی، دانشگاه تربیت مدرس

پیمان صالحی - استاد گروه فیتوشیمی، پژوهشکده گیاهان و مواد اولیه دارویی، دانشگاه شهید بهشتی

علی سنبلی - دانشیار گروه بیولوژی، پژوهشکده گیاهان و مواد اولیه دارویی، دانشگاه شهید بهشتی

خلاصه مقاله:

زالزالک (Crataegus L.) متعلق به تیره گل سرخ (Rosaceae) می باشد و کشور ایران یکی از اصلی ترین مراکز تنوع این میوه ارزشمند محسوب می شود. اندام های مختلف زالزالک (برگ، گل و میوه) به دلیل برخورداری از انواع فلاونوئیدها و پروآنتوسیانین ها اهمیت زیادی در صنایع غذایی و دارویی دارند. با هدف شناخت و بهره برداری از پتانسیل ژنوتیپ های بومی در کارهای اصلاحی، تنوع ژنتیکی این گیاه در ایران (56 منطقه از 11 استان) بر اساس توالی های ITS هسته ای مورد بررسی قرار گرفت. ارزیابی مولکولی توالی یابی ناحیه ITS به خوبی توانست، ژنوتیپ ها و گونه های مختلف سرده Crataegus spp. را از هم جدا نماید که از لحاظ اصلاحی بسیار ارزشمند می باشد. در ایران فقط گونه های مربوط به Sect. Crataegus موجود می باشد که از پنج سری (Ser.) Crataegus، Ser. Erianthae، Ser. Microphyllae، Ser. Orientalis، Ser. Pentagynae، تشکیل شده اند. در پژوهش حاضر به جز Ser. Microphyllae بقیه مشاهده شدند. در شاخه اول از درخت فیلوژنی حاصل از آنالیز داده ها، سری Ser. Orientalis، در شاخه دوم Ser. Pentagynae و Ser. Erianthae و در شاخه های سوم و چهارم سری Ser. Crataegus قرار گرفتند. پژوهش حاضر گسترده ترین تحقیق در زمینه تنوع ژنتیکی زالزالک در ایران بود و نتایج این پژوهش می تواند در اصلاح و بهنژادی زالزالک مورد استفاده علمی قرار گیرد.

کلمات کلیدی:

توالی های ITS، توالی یابی، تیره گل سرخ، زالزالک

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/944788>

