

عنوان مقاله:

آنالیز بیوانفورماتیکی مرتبط ترین مسیرهای سیگنالینگ سلولی hsa-miR-۵۱۳b در سرطان پستان

محل انتشار:

پنجمین کنگره ملی زیست شناسی و علوم طبیعی ایران (سال: ۱۳۹۶)

تعداد صفحات اصل مقاله: ۴

نویسندگان:

مولود کردان پور - بخش زیست شناسی ژنتیک، گروه آموزشی زیست شناسی، دانشگاه نوردانش میمه، میمه، ایران

پدریس سعادت‌مند - آموزشگاه بیوتکنولوژی زیست فناوری نوین، اصفهان، ایران

کامران قایدی - بخش زیست شناسی سلولی مولکولی، گروه آموزشی زیست شناسی، دانشکده علوم، دانشگاه اصفهان، اصفهان، ایران

منصوره آزاده - گروه آموزشی بیوشیمی، دانشکده علوم پایه، واحد نجف آباد، دانشگاه آزاد اسلامی، نجف آباد، اصفهان، ایران

خلاصه مقاله:

سرطان پستان شایعترین علت مرگ در اثر سرطان در زنان سراسر جهان میباشد. microRNAها RNAهای غیرکدکننده‌ی کوچکی هستند که ۲۰-۲۲ نوکلئوتید طول دارند. این مولکولها از طریق اتصال به مولکولهای mRNA و تنظیم رونویسی و پس از رونویسی، در فرآیندهای بیولوژیکی حیاتی مانند توسعه، تمایز، آپوپتوز و تکثیر سلولی شرکت میکنند. در این مطالعه، برای یافتن مرتبطترین مسیرهای سیگنالینگ hsa-miR-۵۱۳b در سرطان پستان، آنالیز تارگت های hsa-miR-۵۱۳b به ترتیب در پایگاه های داده ی miRBase، mirwalk^۲ و DAVID صورت گرفت. با توجه به پیشبینی صورت گرفته توسط این پایگاههای داده، مرتبطترین مسیرها برای hsa-miR-۵۱۳b در سرطان پستان، Pathway in cancer و Apoptosis میباشد.

کلمات کلیدی:

سرطان پستان، hsa-miR-۵۱۳b، microRNA

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/۶۸۹۱۳۴>