

عنوان مقاله:

مدل های بیزی در انطباق پروتئین ها

محل انتشار:

مجله علوم آماری، دوره 9، شماره 2 (سال: 1394)

تعداد صفحات اصل مقاله: 15

نویسندگان:

سید مرتضی نجیبی - *Department of Statistics, Shahid Beheshti University, Tehran, Iran*

موسی گل علی زاده - *Department of Statistics, Tarbiat Modares University, Tehran, Iran*

محمدرضا فقیهی - *Department of Statistics, Shahid Beheshti University, Tehran, Iran*

خلاصه مقاله:

در این مقاله راه حل های احتمالاتی مسئله انطباق ساختار سوم پروتئین و تفاوت آن با الگوریتم های قطعی مطالعه و بررسی می شود. برای این منظور دو مدل احتمال بیزی معرفی و راه حلی در خصوص اضافه کردن اطلاعات توالی و نوع اسید آمینه (ساختار اول) به آن ارائه خواهد شد. همچنین نحوه برآورد پارامترهای انطباق به کمک الگوریتم مونت کارلوی زنجیر مارکف و نمونه گیری از توزیع پسین معرفی می شود. در نهایت نحوه کاربست این روش ها در انطباق پروتئین ها نشان داده شد و برآورد پارامترها در مدل های متفاوت برای یک مجموعه داده واقعی ارزیابی و مقایسه خواهد شد.

کلمات کلیدی:

Statistical Shape Analysis, Size-and-shape Distance, Bioinformatics, Structural Alignment of Protein, Tertiary Structure
of Protein, Bayesian Inference
آمار شکل، فاصله اندازه شکل، بیوانفورماتیک، انطباق ساختاری پروتئین، ساختار سوم پروتئین، استنباط بیزی

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1517014>

