

## عنوان مقاله:

ثبات نسبی ژنتیکی جدایه های ویروس برگ قاشقی باقلا بر اساس بخشی از ژن پروتئین پوششی از میزبان ها و مناطق جغرافیایی مختلف ایران

## محل انتشار:

فصلنامه بیماریهای گیاهی، دوره 54، شماره 1 (سال: 1397)

تعداد صفحات اصل مقاله: 12

## نویسندگان:

امید بهرامی ترابی - دانشجوی کارشناسی ارشد بیماری شناسی گیاهی گروه آموزشی گیاهپزشکی دانشگاه شیراز.

الهام علوی نژاد - دانشیار بیماری شناسی گیاهی گروه آموزشی گیاهپزشکی دانشگاه شیراز

سیدعلی اکبر بهجت نیا - استاد بیماری شناسی گیاهی گروه آموزشی گیاهپزشکی دانشگاه شیراز.

کرامت اله ایزدپناه - استاد بیماری شناسی گیاهی گروه آموزشی گیاهپزشکی دانشگاه شیراز.

## خلاصه مقاله:

یکی از عوامل زردی، کوتولگی و پیچیدگی در حبوبات که باعث کاهش محصول می شود ویروس برگ قاشقی باقلا (Bean leaf roll virus, BLRV) می باشد. به منظور بررسی تنوع جدایه های ایرانی این ویروس از مزارع حبوبات در استان های مرکزی، فارس، خوزستان، کهگیلویه و بویر احمد، گلستان، زنجان و قزوین بازدید و از گیاهان یونجه، عدس، نخود، لوبیا، شبدر، باقلا، نخودفرنگی و شنبليله نمونه برداری انجام شد. درمورد نمونه های انتخابی مراحل استخراج آران ای ویروس، تکثیر بخشی از ژن کدکننده پروتئین پوششی (از نوکلئوتید ۳۲۵۰ تا نوکلئوتید ۳۶۳۸) با آغازگرهای اختصاصی، همسانه سازی و تعیین ترادف به عمل آمد. به این ترتیب، BLRV در گیاهان یونجه، عدس، نخود، لوبیا و شبدر عمدتاً با علائم زردی و در گیاه باقلا با علائم قاشقی شدن برگ ها و زرد شدن برگ های جوان تشخیص داده شد. همردیف سازی چندگانه ترادف بخشی از ژن پروتئین پوششی ۱۵ جدایه های ایرانی با ترادف ناحیه مشابه سایر جدایه های BLRV موجود در بانک ژن نشان داد که میزان شباهت نوکلئوتیدی و ترجمه آمینواسیدی این ناحیه از ژن پروتئین پوششی به ترتیب ۹۴-۹۸٪ و ۹۶-۱۰۰٪ می باشد. مطالعات تبارزایی نشان داد که تمام جدایه های BLRV از ایران در یک گروه مجزا از جدایه های غیرایرانی قرار می گیرند. میزان شباهت ژن در این بخش از ژنوم می تواند نشان دهنده پایستگی و ثبات نسبی ژنتیکی ژن پروتئین پوششی ویروس مورد بررسی باشد.

## کلمات کلیدی:

استخراج آر ان ا، پروتئین پوششی، تنوع ژنتیکی، ویروس برگ قاشقی باقلا، ویروس های حبوبات

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/1405345>

